

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Tierarztpraxis
Dr. Marina Frenk
Bischof-Stratmann-Str. 8
53557 Bad Hönningen
Deutschland

Untersuchungsbefund Nr.: 2501-W-134566
Probeneingang: 08.01.2025
Datum Befund: 23.01.2025
Untersuchungsbeginn: 08.01.2025
Untersuchungsende: 22.01.2025
Befundstatus: Endbefund

| | |
|-------------------------|-----------------------|
| Tierart: | Hund |
| Rasse: | Deutsch Drahthaar |
| Geschlecht: | männlich |
| Name: | Tadeus III Asper |
| Chipnummer: | 276093420237707 |
| Geburtsdatum / Alter: | 6 Jahre |
| Probenmaterial: | EDTA-Blut |
| Probenentnahme: | 07.01.2025 |
| Probennehmer: | Dr. Marina Frenk |
| Patientenbesitzer: | Conzelmann, Charlotte |
| EDV-Nummer / Befund-ID: | 10005-2956 |

Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020)

| | |
|----------|-------------------------------------|
| 001_012: | GG_AG_AA_AA_AG_AA_AG_GG_AA_AA_AG_GG |
| 013-024: | AG_AG_AG_GG_GG_AG_AA_AA_AA_GG_AA_GG |
| 025-036: | AA_AA_GG_AG_AG_AG_AA_AG_AG_AA_GG_GG |
| 037-048: | GG_AA_AC_AA_AA_GG_GG_GG_GG_CC_AG_AG |
| 049-060: | AG_AA_AA_AC_AG_AA_AG_AC_GG_AA_AG_AA |
| 061-072: | AC_AC_AG_GG_GG_AG_AG_GG_AG_GG_AA_AC |
| 073-084: | AG_CC_GG_GG_CC_AG_AA_.._GG_AG_AA_AC |
| 085-096: | AG_AA_AA_AG_AG_GG_AC_AG_GG_AG_GG_AA |
| 097-108: | AG_AG_AG_AG_GG_CC_AG_AC_GG_AG_GG_GG |
| 109-120: | AG_GG_CC_AG_AG_AG_AG_AG_GG_AA_AA_GG |
| 121-132: | GG_AG_AA_GG_GG_AA_GG_AA_AA_AG_AA_AG |
| 133-144: | GG_GG_AA_AG_AG_AG_GG_AA_AG_AA_AA_GG |
| 145-156: | AG_AG_GG_AG_GG_AG_GG_AA_AG_AG_GG_AG |
| 157-168: | AA_AA_AG_AA_CC_GG_AA_GG_GG_GG_CC_GG |
| 169-180: | AA_AG_CC_AG_AG_AG_GG_AG_GG_AG_GG_GG |
| 181-192: | GG_AG_AG_AA_AA_GG_GG_AA_AG_AA_AG_GG |
| 193-204: | AG_AA_GG_GG_AA_AG_AG_AG_GG_AG_AG_AG |
| 205-216: | AG_AA_AA_GG_GG_AA_GG_GG_AG_AG_AA_AG |
| 217-228: | GG_GG_GG_AA_AA_AC_AA_GG_AG_GG_CC_AA |
| 229-230: | CC_AA |
| sex: | X/Y |

Informationen zum Premium SNP DNA-Profil

Das Premium SNP DNA-Profil ist der genetische Fingerabdruck Ihres Tieres und erlaubt seine eindeutige Identifizierung. Es bleibt das ganze Leben lang gleich und kann nicht manipuliert werden. Jedes bei uns erstellte DNA-Profil wird in unserer DNA-Datenbank gespeichert und steht Ihnen so dauerhaft zur Verfügung. Das DNA-Profil beinhaltet keine Informationen zu Merkmalen oder zu Krankheiten Ihres Tieres. Das Premium SNP DNA-Profil begutachtet alle von der ISAG empfohlenen SNPs aus dem Kernpanel (1) und dem Zusatzpanel (2) (nummeriert von 001-230). Die folgende Tabelle zeigt die entsprechende international geltende ISAG Nomenklatur (Cfam_Chromosom:Position) der untersuchten SNPs.

Num Panel Chr:Pos

| | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---|------------------|-----|---|------------------|-----|---|------------------|-----|---|------------------|-----|---|------------------|
| 001 | 1 | Cfam_1:3962719 | 002 | 1 | Cfam_1:20842130 | 003 | 1 | Cfam_1:70238933 | 004 | 1 | Cfam_1:80971770 | 005 | 1 | Cfam_1:106430955 |
| 006 | 1 | Cfam_1:119414584 | 007 | 1 | Cfam_2:2610859 | 008 | 1 | Cfam_2:38293797 | 009 | 1 | Cfam_2:77806065 | 010 | 1 | Cfam_3:1252765 |
| 011 | 1 | Cfam_3:24757939 | 012 | 1 | Cfam_3:73570828 | 013 | 1 | Cfam_4:31301072 | 014 | 1 | Cfam_4:64121754 | 015 | 1 | Cfam_4:75910211 |
| 016 | 1 | Cfam_4:86049027 | 017 | 1 | Cfam_5:5410890 | 018 | 1 | Cfam_5:26320165 | 019 | 1 | Cfam_5:85451804 | 020 | 1 | Cfam_6:11553458 |
| 021 | 1 | Cfam_6:33976751 | 022 | 1 | Cfam_6:64006720 | 023 | 1 | Cfam_7:76294 | 024 | 1 | Cfam_7:15011628 | 025 | 1 | Cfam_7:36555518 |
| 026 | 1 | Cfam_8:5291824 | 027 | 1 | Cfam_8:18121580 | 028 | 1 | Cfam_8:45852939 | 029 | 1 | Cfam_8:63196958 | 030 | 1 | Cfam_9:22610227 |
| 031 | 1 | Cfam_9:40096141 | 032 | 1 | Cfam_9:52710991 | 033 | 1 | Cfam_9:60437147 | 034 | 1 | Cfam_10:10652659 | 035 | 1 | Cfam_10:22409408 |
| 036 | 1 | Cfam_10:30034450 | 037 | 1 | Cfam_10:66922269 | 038 | 1 | Cfam_11:5318488 | 039 | 1 | Cfam_11:23907101 | 040 | 1 | Cfam_11:65603333 |
| 041 | 1 | Cfam_12:5579055 | 042 | 1 | Cfam_12:35306641 | 043 | 1 | Cfam_12:55201839 | 044 | 1 | Cfam_12:68125319 | 045 | 1 | Cfam_13:8704192 |
| 046 | 1 | Cfam_13:59896033 | 047 | 1 | Cfam_14:50063321 | 048 | 1 | Cfam_14:58465266 | 049 | 1 | Cfam_15:19299365 | 050 | 1 | Cfam_15:22834903 |
| 051 | 1 | Cfam_16:29634940 | 052 | 1 | Cfam_16:46884446 | 053 | 1 | Cfam_16:57958947 | 054 | 1 | Cfam_17:10649078 | 055 | 1 | Cfam_17:34462308 |
| 056 | 1 | Cfam_17:39124697 | 057 | 1 | Cfam_18:6745949 | 058 | 1 | Cfam_18:54361347 | 059 | 1 | Cfam_19:841347 | 060 | 1 | Cfam_19:15926130 |
| 061 | 1 | Cfam_19:27288167 | 062 | 1 | Cfam_19:47470564 | 063 | 1 | Cfam_20:13740894 | 064 | 1 | Cfam_20:49900586 | 065 | 1 | Cfam_20:57167714 |
| 066 | 1 | Cfam_21:15558670 | 067 | 1 | Cfam_21:25537675 | 068 | 1 | Cfam_21:35719434 | 069 | 1 | Cfam_22:641125 | 070 | 1 | Cfam_22:26694580 |
| 071 | 1 | Cfam_22:55308193 | 072 | 1 | Cfam_23:42886681 | 073 | 1 | Cfam_23:50772488 | 074 | 1 | Cfam_24:23393510 | 075 | 1 | Cfam_24:29909901 |
| 076 | 1 | Cfam_24:47381908 | 077 | 1 | Cfam_25:2073511 | 078 | 1 | Cfam_25:33986348 | 079 | 1 | Cfam_25:47708600 | 080 | 1 | Cfam_26:20004896 |
| 081 | 1 | Cfam_26:35071515 | 082 | 1 | Cfam_27:2619058 | 083 | 1 | Cfam_27:22599860 | 084 | 1 | Cfam_27:41049333 | 085 | 1 | Cfam_28:9877730 |
| 086 | 1 | Cfam_28:18509221 | 087 | 1 | Cfam_28:38885325 | 088 | 1 | Cfam_29:251970 | 089 | 1 | Cfam_29:9625359 | 090 | 1 | Cfam_29:17561258 |
| 091 | 1 | Cfam_29:36319325 | 092 | 1 | Cfam_30:3896482 | 093 | 1 | Cfam_30:15542105 | 094 | 1 | Cfam_30:32852404 | 095 | 1 | Cfam_31:21068798 |
| 096 | 1 | Cfam_31:39391935 | 097 | 1 | Cfam_32:679380 | 098 | 1 | Cfam_32:17792284 | 099 | 1 | Cfam_32:32382778 | 100 | 1 | Cfam_33:15018500 |
| 101 | 1 | Cfam_33:23742061 | 102 | 1 | Cfam_34:195313 | 103 | 1 | Cfam_34:24396298 | 104 | 1 | Cfam_35:15345329 | 105 | 1 | Cfam_36:3565500 |
| 106 | 1 | Cfam_36:12714421 | 107 | 1 | Cfam_36:23459390 | 108 | 1 | Cfam_37:9398945 | 109 | 1 | Cfam_37:15436615 | 110 | 1 | Cfam_37:27667297 |
| 111 | 1 | Cfam_38:9224942 | 112 | 1 | Cfam_38:17657161 | 113 | 1 | Cfam_38:20441216 | 114 | 2 | Cfam_1:72613047 | 115 | 2 | Cfam_1:74450772 |
| 116 | 2 | Cfam_1:119306331 | 117 | 2 | Cfam_3:10255068 | 118 | 2 | Cfam_3:37849557 | 119 | 2 | Cfam_3:43055696 | 120 | 2 | Cfam_3:43063677 |
| 121 | 2 | Cfam_3:64084413 | 122 | 2 | Cfam_3:90291255 | 123 | 2 | Cfam_3:91626907 | 124 | 2 | Cfam_4:42104780 | 125 | 2 | Cfam_4:67040898 |
| 126 | 2 | Cfam_4:70217695 | 127 | 2 | Cfam_5:13080303 | 128 | 2 | Cfam_5:36642434 | 129 | 2 | Cfam_5:44650576 | 130 | 2 | Cfam_5:55349573 |
| 131 | 2 | Cfam_5:64611038 | 132 | 2 | Cfam_7:3318809 | 133 | 2 | Cfam_7:6423299 | 134 | 2 | Cfam_7:15017979 | 135 | 2 | Cfam_7:76487265 |
| 136 | 2 | Cfam_8:6188937 | 137 | 2 | Cfam_8:19076567 | 138 | 2 | Cfam_8:24614720 | 139 | 2 | Cfam_8:52381322 | 140 | 2 | Cfam_8:67183794 |
| 141 | 2 | Cfam_9:20867959 | 142 | 2 | Cfam_9:32506288 | 143 | 2 | Cfam_9:50114927 | 144 | 2 | Cfam_9:56021221 | 145 | 2 | Cfam_10:8085469 |
| 146 | 2 | Cfam_10:14685262 | 147 | 2 | Cfam_10:39548483 | 148 | 2 | Cfam_10:47923623 | 149 | 2 | Cfam_10:57954366 | 150 | 2 | Cfam_11:1161870 |
| 151 | 2 | Cfam_11:62157625 | 152 | 2 | Cfam_11:70698603 | 153 | 2 | Cfam_12:6337286 | 154 | 2 | Cfam_12:8532712 | 155 | 2 | Cfam_12:23059939 |
| 156 | 2 | Cfam_12:40681020 | 157 | 2 | Cfam_12:70657733 | 158 | 2 | Cfam_13:40616856 | 159 | 2 | Cfam_14:55735620 | 160 | 2 | Cfam_16:29675662 |
| 161 | 2 | Cfam_16:58093031 | 162 | 2 | Cfam_17:9407683 | 163 | 2 | Cfam_17:12787849 | 164 | 2 | Cfam_17:57371669 | 165 | 2 | Cfam_18:10189759 |
| 166 | 2 | Cfam_18:16385020 | 167 | 2 | Cfam_18:16388978 | 168 | 2 | Cfam_18:31579269 | 169 | 2 | Cfam_18:47325586 | 170 | 2 | Cfam_19:30246414 |
| 171 | 2 | Cfam_19:40189405 | 172 | 2 | Cfam_19:42756283 | 173 | 2 | Cfam_20:6046176 | 174 | 2 | Cfam_20:45777531 | 175 | 2 | Cfam_20:48602465 |
| 176 | 2 | Cfam_21:22581321 | 177 | 2 | Cfam_21:29796784 | 178 | 2 | Cfam_21:31751817 | 179 | 2 | Cfam_22:20498421 | 180 | 2 | Cfam_22:33934047 |
| 181 | 2 | Cfam_22:37522364 | 182 | 2 | Cfam_22:39647748 | 183 | 2 | Cfam_22:61153661 | 184 | 2 | Cfam_23:44497217 | 185 | 2 | Cfam_23:48055836 |
| 186 | 2 | Cfam_24:18599997 | 187 | 2 | Cfam_24:27925354 | 188 | 2 | Cfam_24:30954773 | 189 | 2 | Cfam_24:43589304 | 190 | 2 | Cfam_24:45191477 |
| 191 | 2 | Cfam_25:4614777 | 192 | 2 | Cfam_27:20948372 | 193 | 2 | Cfam_27:34444177 | 194 | 2 | Cfam_27:42526114 | 195 | 2 | Cfam_28:9703418 |
| 196 | 2 | Cfam_28:12804225 | 197 | 2 | Cfam_28:34478533 | 198 | 2 | Cfam_28:35104850 | 199 | 2 | Cfam_29:4020192 | 200 | 2 | Cfam_29:4022252 |
| 201 | 2 | Cfam_29:19681270 | 202 | 2 | Cfam_29:22992304 | 203 | 2 | Cfam_30:10012939 | 204 | 2 | Cfam_30:11735245 | 205 | 2 | Cfam_30:27619023 |
| 206 | 2 | Cfam_31:20912553 | 207 | 2 | Cfam_32:13183511 | 208 | 2 | Cfam_33:15233992 | 209 | 2 | Cfam_33:22070526 | 210 | 2 | Cfam_33:22472901 |
| 211 | 2 | Cfam_33:22648231 | 212 | 2 | Cfam_34:24351570 | 213 | 2 | Cfam_34:34993916 | 214 | 2 | Cfam_34:37323213 | 215 | 2 | Cfam_34:41703614 |
| 216 | 2 | Cfam_35:15283717 | 217 | 2 | Cfam_36:288045 | 218 | 2 | Cfam_36:9241262 | 219 | 2 | Cfam_36:10084888 | 220 | 2 | Cfam_36:12723744 |
| 221 | 2 | Cfam_36:18627936 | 222 | 2 | Cfam_37:18338930 | 223 | 2 | Cfam_37:26611359 | 224 | 2 | Cfam_37:28611801 | 225 | 2 | Cfam_37:30110473 |
| 226 | 2 | Cfam_37:30902202 | 227 | 2 | Cfam_38:13098194 | 228 | 2 | Cfam_38:15271384 | 229 | 2 | Cfam_38:19172567 | 230 | 2 | Cfam_38:20930997 |

Freischaltcode:

05319166035BDB57

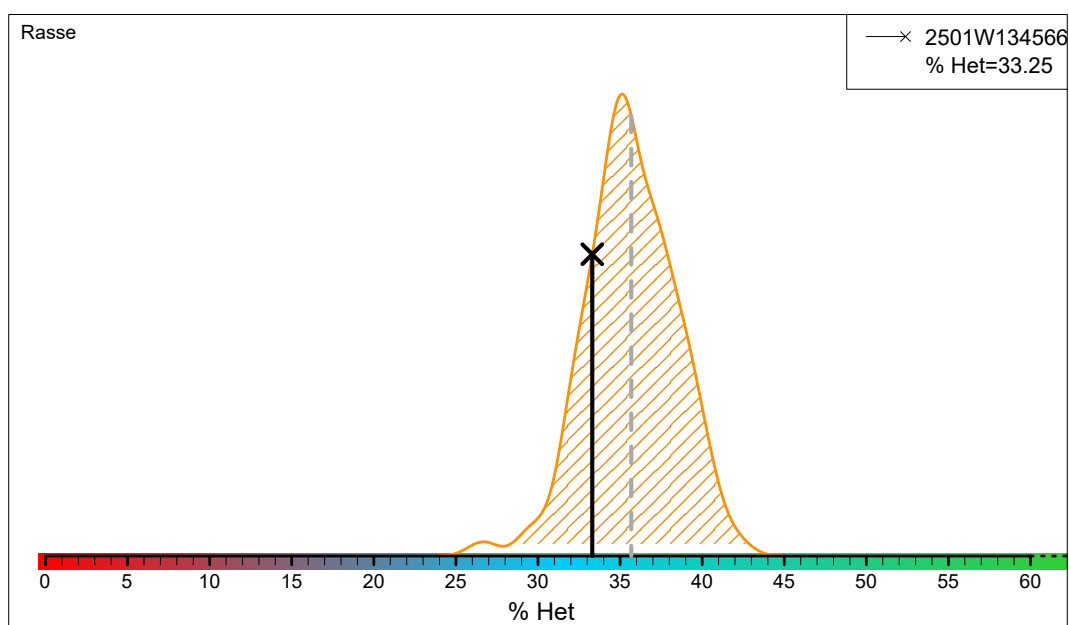
Der Freischaltcode dient zur online Anzeige des Labogen Diversity Check unter diversity.labogen.com. Der Labogen Diversity Check zeigt Ihnen immer die aktuellsten genetischen Rassedaten aus dem Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020) an.

Probenentnahme:

Der folgende unabhängige Probennehmer (Tierarzt, Zuchtwart, o.ä.) hat durch seine Unterschrift die Probenentnahme und Überprüfung der Identität des Tieres bestätigt:

Dr. Marina Frenk

Genetische Variabilität (Heterozygotie)



In dieser Grafik können Sie die genetische Variabilität (Heterozygotie) Ihres Tieres ablesen. Die Heterozygotie (% Het) beschreibt den Prozentsatz an genetischen Merkmalen (SNPs), bei denen Ihr Hund unterschiedliche Varianten von Mutter und Vater vererbt bekommen hat. Im Rassevergleich sind Tiere mit hoher Heterozygotie nach aktuellem wissenschaftlichem Stand weniger von Inzucht betroffen als Tiere niedriger Heterozygotie.

Für die Berechnung der Heterozygotie verwenden wir den genetischen Fingerabdruck (das Premium SNP DNA-Profil) sowie hunderte weiterer genetischer Merkmale in der DNA Ihres Hundes. Ihr Hund ist in der Grafik mit einem Kreuz und einer schwarzen durchgezogenen Linie markiert.

Sobald eine genügend große Referenzpopulation Ihrer Rasse bei LABOKLIN untersucht wurde, sehen Sie die genetische Variabilität der gesamten Rassepopulation als orange schraffierten Bereich. Der Mittelwert der Rasse ist als graue gestrichelte Linie gekennzeichnet.

Kleine Populationsgrößen und Inzucht können die Heterozygotie einer Rasse verringern. Tiere mit hoher Heterozygotie im Rassevergleich können daher in der Zucht zum Erhalt der genetischen Vielfalt einer Rasse beitragen. Bitte beachten Sie jedoch, dass durch die Heterozygotie keine Rückschlüsse auf einzelne Faktoren wie Erbkrankheiten oder äußerliche Merkmale wie der Fellfarbe gezogen werden können. Der Erhalt von genetischer Variabilität kann ein Baustein in der verantwortungsvollen Hundezucht sein, darf aber nicht für sich allein betrachtet werden. Mehr Informationen finden Sie auf unserer Homepage:

<https://shop.labogen.com/hund-premium-snp-dna-profil-isag-2020>

Das Methoden-Abkürzungsverzeichnis finden Sie unter www.laboklin.com in der Rubrik "Leistungen".

Die Untersuchungsergebnisse beziehen sich auf das uns eingesandte Probenmaterial. Dieses war untersuchungsfähig, sofern nichts anderes angegeben ist. Die Richtigkeit der Angaben zu den Proben verantwortet der Einsender. Dieser Prüfbericht darf nur vollständig und unverändert weitergegeben werden. Abweichende Vorgehensweisen bedürfen der schriftlichen Genehmigung der Laboklin GmbH & Co. KG. Hinweis: Wer die in diesem Dokument aufgeführten Daten absichtlich so speichert oder verändert, dass bei ihrer Wahrnehmung eine unechte/verfälschte Urkunde vorliegen würde, oder derart gespeicherte oder veränderte Daten gebraucht, macht sich strafbar und muss mit juristischen Konsequenzen rechnen.

LABOKLIN ist ein nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Labor, mit Nummern D-PL-13186-01-01, D-PL-13186-01-02 und D-PL-13186-01-03. Diese Akkreditierung bezieht sich auf alle in der Akkreditierungsurkunde aufgeführten Prüfverfahren.



Fr. Dr. Weimann
Dipl.-Ing. Molekularbiologie

***** ENDE des Befundes *****



Laboklin App